[Ingénieur d’études en biologie moléculaire]

|  |
| --- |
| Profil de poste |
| Emploi-type | A2A42 - Ingénieur-e en expérimentation et instrumentation biologiques |
| BAP | BAP A : Sciences du vivant, de la terre et de l’environnement |
| Missions | Sous la supervision de la responsable de la plateforme Transcriptomique et Génomique de Marseille-Luminy, l’IE aura pour mission principale de prendre en charge les prestations de séquençage haut débit (séquenceur NS500 & NS2000) et de single-cell (avec la technologie 10X de Genomix). Il devra également prendre en charge le processus « Prestation » dans la démarche qualité. Dans ce cadre l’IE devra s’adapter aux conditions de travail sur plate-forme labélisée IBiSA et certifiée ISO9001 NFX50-900.  |
| Activités principales | * Réaliser les prestations déposées sur la plateforme
* Interagir avec les divers collaborateurs pour l’avancée des différents projets
* Générer des protocoles de manipulation validés
* Assurer le suivi et la traçabilité des outils et techniques utilisés
* Interpréter et discuter des résultats avec les membres de l’équipe
* Rédiger des rapports et des présentations pour les clients et la responsable de la plateforme
* Diffuser et valoriser les réalisations technologiques de la plateforme
* Faire de la veille scientifique
 |
| Activités associées | * Participer à la démarche qualité.
 |
| Connaissances | * Connaissance générale en séquençage avec la technologie Illumina (indispensable)
* Connaissance générale des approches de cellules et noyaux uniques avec la technologie 10X
* Connaissance générale de la démarche du management de la qualité (norme ISO9001 NFX50-900
* Connaissance du travail sur plateforme (souhaitable)
* Connaissances de base en bioinformatique pour l’analyse des données (souhaitable)
 |
| Savoir-faire | * Maîtriser les techniques standards de biologie moléculaire
* Maîtriser la fabrication de librairies RNAseq, ChiPseq.
* Maîtriser les techniques de séquençage haut débit sur NS500, NS2000
* Mise en forme et présentation de résultats
* Bon niveau d’anglais (B2 ou C1)
 |
| Aptitudes | * Organisé et rigoureux
* Polyvalent
* Autonome, dynamique
* Capacité à travailler sur différents projets
* Capacité à assimiler la littérature scientifique (en anglais) liée aux thématiques de recherche et aux méthodes appliquées
* Capacité à travailler en équipe
* Capacité à rédiger et communiquer les résultats des analyses produites
 |
| Spécificité(s) / Contrainte(s)du poste | * Travail sur plateforme (nécessitant de pouvoir s’adapter rapidement aux urgences.
 |
| Expérience souhaitée | * Une expérience sur plate-forme (ou équivalent) de 3 ans minimum
 |
| Diplôme(s) souhaité(s) | * Master
* Master Bioinformatique, Biochimie Structurale et Génomique serait un atout
 |
| Structure d’accueil |
| Code unité | U1090 |
| Intitulé | TAGC (Theories and Approaches of Genomic Complexity) U1090 – Plateforme TGML (Transcriptomique et Génomique de Marseille-Luminy) |
| Responsable | Christophe Chevillard (U1090) – Béatrice Loriod (TGML) |
| Composition | Chercheurs de l’équipe, collaborateurs extérieurs, techniciens, ingénieurs (IE et IR) et étudiants (Master et doctorat) |
| Adresse | 163 avenue de Luminy, 13009, Marseille |
| Délégation Régionale | PACA |
| Contrat |
| Type | CDD  |
| Durée | 18 mois |
| Rémunération | Selon la qualification et l’expérience du candidat (grilles de salaire Inserm) |
| Date souhaitée de prise de fonctions | 02/2025 |

## Pour postuler

Adresser votre CV et une lettre de motivation à l’adresse suivante : beatrice.loriod@inserm.fr