[Ingénieur d’études en biologie moléculaire]

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| Profil de poste | | |
| Emploi-type | A2A42 - Ingénieur-e en expérimentation et instrumentation biologiques | |
| BAP | BAP A : Sciences du vivant, de la terre et de l’environnement | |
| Missions | Sous la supervision de la responsable de la plateforme Transcriptomique et Génomique de Marseille-Luminy, l’IE aura pour mission principale de prendre en charge les prestations de séquençage haut débit (séquenceur NS500 & NS2000) et de single-cell (avec la technologie 10X de Genomix). Il devra également prendre en charge le processus « Prestation » dans la démarche qualité. Dans ce cadre l’IE devra s’adapter aux conditions de travail sur plate-forme labélisée IBiSA et certifiée ISO9001 NFX50-900. | |
| Activités  principales | * Réaliser les prestations déposées sur la plateforme * Interagir avec les divers collaborateurs pour l’avancée des différents projets * Générer des protocoles de manipulation validés * Assurer le suivi et la traçabilité des outils et techniques utilisés * Interpréter et discuter des résultats avec les membres de l’équipe * Rédiger des rapports et des présentations pour les clients et la responsable de la plateforme * Diffuser et valoriser les réalisations technologiques de la plateforme * Faire de la veille scientifique | |
| Activités  associées | * Participer à la démarche qualité. | |
| Connaissances | * Connaissance générale en séquençage avec la technologie Illumina (indispensable) * Connaissance générale des approches de cellules et noyaux uniques avec la technologie 10X * Connaissance générale de la démarche du management de la qualité (norme ISO9001 NFX50-900 * Connaissance du travail sur plateforme (souhaitable) * Connaissances de base en bioinformatique pour l’analyse des données (souhaitable) | |
| Savoir-faire | * Maîtriser les techniques standards de biologie moléculaire * Maîtriser la fabrication de librairies RNAseq, ChiPseq. * Maîtriser les techniques de séquençage haut débit sur NS500, NS2000 * Mise en forme et présentation de résultats * Bon niveau d’anglais (B2 ou C1) | |
| Aptitudes | * Organisé et rigoureux * Polyvalent * Autonome, dynamique * Capacité à travailler sur différents projets * Capacité à assimiler la littérature scientifique (en anglais) liée aux thématiques de recherche et aux méthodes appliquées * Capacité à travailler en équipe * Capacité à rédiger et communiquer les résultats des analyses produites | |
| Spécificité(s) / Contrainte(s)  du poste | * Travail sur plateforme (nécessitant de pouvoir s’adapter rapidement aux urgences. | |
| Expérience  souhaitée | * Une expérience sur plate-forme (ou équivalent) de 3 ans minimum | |
| Diplôme(s)  souhaité(s) | * Master * Master Bioinformatique, Biochimie Structurale et Génomique serait un atout | |
| Structure d’accueil | | |
| Code unité | | U1090 |
| Intitulé | | TAGC (Theories and Approaches of Genomic Complexity) U1090 – Plateforme TGML (Transcriptomique et Génomique de Marseille-Luminy) |
| Responsable | | Christophe Chevillard (U1090) – Béatrice Loriod (TGML) |
| Composition | | Chercheurs de l’équipe, collaborateurs extérieurs, techniciens, ingénieurs (IE et IR) et étudiants (Master et doctorat) |
| Adresse | | 163 avenue de Luminy, 13009, Marseille |
| Délégation Régionale | | PACA |
| Contrat | | |
| Type | CDD | |
| Durée | 18 mois | |
| Rémunération | Selon la qualification et l’expérience du candidat (grilles de salaire Inserm) | |
| Date souhaitée de prise de fonctions | 02/2025 | |

## Pour postuler

Adresser votre CV et une lettre de motivation à l’adresse suivante : beatrice.loriod@inserm.fr