

## Ingénieur(e) d'études en séquençage haut-débit

Durée du contrat : 24 mois renouvelable

Diplôme souhaité : BAC+5 dans le domaine de la biologie moléculaire

Salaire : 1996€ à 2277€ bruts selon expérience (grille Université de Bordeaux)

Date de prise de fonction souhaitée : 01/09/2022

Date de fin de validité de l'annonce : 24/06/2022

### **Laboratoire d'accueil**

Plateforme Génome Transcriptome de Bordeaux

Université de Bordeaux & INRAE

Campus de Cestas-Pierroton

69 route d'Arcachon

33610 CESTAS - France

### **Contacts**

Erwan Guichoux ([erwan.guichoux@inrae.fr](mailto:erwan.guichoux@inrae.fr)),

Olivier Lepais ([olivier.lepais@inrae.fr](mailto:olivier.lepais@inrae.fr)),

Laurence Delhaes ([laurence.delhaes@u-bordeaux.fr](mailto:laurence.delhaes@u-bordeaux.fr))

### **Contexte**

La Plateforme Génome Transcriptome de Bordeaux (PGTB) est une structure académique spécialisée en séquençage et en génotypage. La PGTB développe et propose des services faisant appel à des technologies émergentes moyen et haut débit reposant sur le séquençage d'ADN (séquençage de courts et longs fragments d'ADN, reséquençage et métagénomique ciblée, séquençage de génomes et de transcriptomes), la recherche et le génotypage de mutations (SNP et microsatellites), la quantification de l'expression de gènes, l'analyse d'ADN environnemental, sensible ou ancien en laboratoire confiné ainsi que des services de support en matière d'analyse de biologie moléculaire courant (quantification d'acides nucléiques, contrôle de qualité, préparation de bibliothèques, ...).

Vous travaillerez au quotidien au sein d'une équipe d'environ 10 personnes, sur le site INRAE de Cestas-Pierroton, situé à 25 km du centre-ville de Bordeaux. Le site, qui dispose d'un service de restauration collective, est également accessible via une navette Prox'Bus desservant la gare SNCF de Cestas Gazinet (deux passages le matin et deux le soir). Enfin, vous bénéficierez de 50 jours de congés annuels, sur la base d'un travail hebdomadaire de 38h30.

## **Missions**

La mission principale de l'ingénieur(e) recruté(e) sera de développer et conduire des approches méthodologiques en séquençage short-reads Illumina (la PGTB dispose d'un iSeq100, deux MiSeq et un NextSeq 2000).

Les missions et activités qui vous incomberont seront de :

- Développer et mettre en place de nouvelles technologies ou méthodologies short-reads haut-débit au sein de la PGTB (métagénomique, GBS, séquençage shotgun, métatranscriptomique, RNAseq, épigénomique, ...),
- Interagir avec les utilisateurs et les conseiller techniquement,
- Planifier et réaliser les expériences, choisir et mettre en œuvre les meilleurs protocoles expérimentaux,
- Valider les données produites et rendre compte aux utilisateurs,
- Assurer une veille scientifique et technologique,
- Accompagner et former les utilisateurs internes et externes.
- Participer à la démarche qualité ISO9001 et NFX50-900.

## **Compétences attendues**

- Connaître et maîtriser les techniques de séquençage short-reads utilisées à la PGTB (une expérience antérieure sur une plateforme de génomique serait un plus),
- Conseiller sur les possibilités techniques, leurs limites, les méthodes d'analyse, leur interprétation, et en assurer le suivi,
- Connaître et savoir utiliser les outils bioinformatiques de validation des données de séquençage,
- Savoir rendre compte de son activité, savoir rassembler et mettre en forme les résultats des expériences,
- Connaître et savoir appliquer les risques et les règles d'hygiène et de sécurité d'un laboratoire de biologie moléculaire,
- Savoir utiliser les outils informatiques (logiciels de bureautique),
- Bonne maîtrise de l'anglais permettant de lire et comprendre un protocole et d'échanger par email ou par visioconférence avec les utilisateurs,
- Sens de l'organisation, autonomie, rigueur, goût du travail soigné et esprit d'équipe sont attendus.

## **Procédure de candidature**

Le dossier de candidature est à envoyer par courriel à :

Erwan Guichoux ([erwan.guichoux@inrae.fr](mailto:erwan.guichoux@inrae.fr)), Olivier Lepais ([olivier.lepais@inrae.fr](mailto:olivier.lepais@inrae.fr)) et Laurence Delhaes ([laurence.delhaes@u-bordeaux.fr](mailto:laurence.delhaes@u-bordeaux.fr))

Indiquer en objet de courriel : « Candidature Ingénieur(e) d'étude en séquençage haut-débit ». Le dossier comprendra une lettre de motivation et un curriculum vitae détaillé. Il doit être envoyé avant le 24 juin 2022. Les entretiens seront réalisés entre le 28 et le 30 juin 2022, éventuellement par visioconférence.