

# CDD Ingénieur en analyse de données de séquençage haut débit Plateforme GenomEast, IGBMC, Strasbourg

## Contexte

L'Institut de Génétique et de Biologie Moléculaire et Cellulaire (UMR CNRS-INSERM-Université de Strasbourg ; <http://www.igbmc.fr>) est composé de 52 équipes de recherche explorant diverses thématiques de recherche fondamentale en biologie moléculaire et cellulaire et appliquée dans le domaine de la santé.

Au sein de l'IGBMC, la plateforme GenomEast (<http://genomeast.igbmc.fr/>) met à disposition ses ressources et son expertise tant aux équipes de l'institut qu'à la communauté académique nationale. Elle comprend actuellement 14 personnes (9 pour la partie expérimentale et 5 pour la partie analyse de données). Les projets traités portent sur des thématiques diverses (notamment génomique fonctionnelle, cancer, développement, cellules souches, génétique humaine), en utilisant principalement diverses applications de séquençage haut débit (RNA-seq, RNA-seq sur cellules uniques, ChIP-seq, ATAC-seq, MeDIP-seq, small RNA-seq, DNA-seq, ...). Actuellement, la plateforme est notamment équipée d'un séquenceur Illumina HiSeq4000, d'un Chromium Controller (10X Genomics) et d'un serveur de stockage et de calcul. La personne recrutée rejoindra l'équipe en charge de l'analyse des données de séquençage haut débit générées par la plateforme.

## Missions

En collaboration avec les équipes de recherche porteuses des projets et les bioinformaticiens de la plateforme, la personne recrutée sera en charge de l'analyse bioinformatique et statistique de données de RNA-seq et single-cell RNA-seq produites par la plateforme. En fonction des questions biologiques posées par les porteurs des projets, la personne recrutée définira les méthodes appropriées pour analyser les données, les utilisera ou les adaptera aux besoins du projet et documentera ces analyses. Tout au long des projets il/elle interagira avec les porteurs de projets, afin de répondre à leurs interrogations, de réaliser l'ensemble des analyses répondant à leurs demandes et de les former à l'interprétation et à l'analyse des résultats. Il/elle interagira également avec les biologistes de la plateforme, en charge de la partie expérimentale des projets.

## Profil

Diplôme requis : Minimum bac+5 en bioinformatique ou biostatistique.

Compétences requises :

- Très bonnes connaissances en bioinformatique (expérience préalable dans le domaine de l'analyse de données de séquençage haut débit particulièrement appréciée)
- Maîtrise de l'environnement unix et de la programmation shell
- Très bonnes connaissances et expérience en programmation et maîtrise d'au moins un langage (Python de préférence)
- Très bon niveau en statistique et analyse de données, très bonnes connaissances et expérience en R (connaissance de Bioconductor appréciée)
- Connaissances théoriques en biologie moléculaire et génomique
- Bon niveau en anglais écrit et oral

## Contrat

CDD de 16 mois (date de début du contrat négociable).

Salaires : selon diplôme et expérience (grilles IE / IR du GIE CERBM).

Localisation du poste : IGBMC, 1 rue Laurent Fries, Illkirch (à côté de Strasbourg).

## Candidature

Pour postuler, merci d'envoyer par mail à l'adresse [keime@igbmc.fr](mailto:keime@igbmc.fr) un document pdf comprenant les éléments suivants : un CV, une lettre de motivation, vos relevés de notes de master ou d'école d'ingénieur, les coordonnées de deux référents (et éventuellement des lettres de recommandation), en spécifiant comme objet : CDD GenomEast. La procédure de recrutement est ouverte jusqu'à ce qu'un candidat soit retenu.