

Poste d'Assistant(e) Ingénieur(e) / Ingénieur(e) d'études au sein de la plateforme ICGex de séquençage haut débit (NGS)

Poste à pouvoir à compter du 15 mars 2021
Localisation Institut Curie, 26 rue d'Ulm, Paris 5^e arr.

Structure d'accueil

Le Centre de Recherche de l'Institut Curie

L'Institut Curie est un acteur majeur de la recherche et de la lutte contre le cancer. Il est constitué d'un hôpital et d'un Centre de Recherche de plus de 1000 collaborateurs avec une forte représentativité internationale. L'objectif du Centre de Recherche de l'institut Curie est de développer la recherche fondamentale et d'utiliser les connaissances produites pour améliorer le diagnostic, le pronostic, la thérapeutique des cancers dans le cadre du continuum entre la recherche fondamentale et l'innovation au service du malade.

Description du poste

Activité

La plateforme de séquençage haut débit de l'institut Curie a pour mission de permettre aux équipes de recherche de bénéficier des avancées considérables en génomique permises grâce l'avènement des technologies de séquençage de nouvelle génération. La plateforme se veut flexible et versatile afin de pouvoir répondre au mieux aux besoins des chercheurs. Le parc technologique est composé de séquenceurs Illumina de très haut débit (NovaSeq 6000) et moyenne débit (MiSeq) ainsi qu'un séquenceur long reads PacBio (Sequel II). Les applications couvertes sont très diversifiées autour de 3 axes que sont la génomique (WGS, WES, Targeted-seq), la transcriptomique (RNAseq) et l'épigénétique (ChIPseq, ATACseq). De plus, une partie croissante de l'activité se concentre sur l'analyse du transcriptome de cellules uniques (single cell RNAseq) ainsi que sur l'organisation spatiale des tissus (spatial transcriptomics).

Missions

Sous l'autorité du Responsable de la plateforme, l'assistant(e) ingénieur(e) / ingénieur(e) d'études devra :

- Participer à l'interface entre la plateforme et les porteurs de projets
- Prendre en charge les projets de séquençage : préparation des banques et séquençage sur les différentes plateformes (Illumina et Pacific Biosciences)
- Participer à la veille technologique et l'évolution des protocoles utilisés en routine au laboratoire
- Participer à l'entretien des appareils et au bon fonctionnement du laboratoire

Publications récentes de l'équipe

- Gueguen P et al. Contribution of resident and circulating precursors to tumor-infiltrating CD8+ T cell populations in lung cancer. *Sci Immunol.* 2021 Jan 29;6(55).
- Kamal M et al. Human papilloma virus (HPV) integration signature in Cervical Cancer: identification of MACROD2 gene as HPV hot spot integration site. *Br J Cancer.* 2020 Nov 16.
- Chikina AS et al. Macrophages Maintain Epithelium Integrity by Limiting Fungal Product Absorption. *Cell.* 2020 Oct 15;183(2):411-428.e16.

Profil recherché

Formation et expérience

Curieux et rigoureux, doté d'excellentes capacités relationnelles mais aussi de capacités d'adaptation et d'autonomie, vous justifiez d'une formation Bac+3/+5 en biologie moléculaire et génomique. La capacité à travailler en équipe est indispensable et la maîtrise de l'anglais souhaitée. Avoir de 3 à 5 ans d'expérience dans le domaine constituerait un plus.

Connaissances

Maîtrise des techniques de bases en biologie moléculaire et en séquençage haut débit (contrôle qualité ADN/ARN, préparation de banques, WGS, WES, RNAseq, ChIPseq ...).

Toutes nos opportunités sont ouvertes à des personnes en situation de handicap.

Type de contrat : COD

Durée du contrat : 18 mois

Rémunération : selon statut et grilles indiciaires

Temps de travail : Temps complet

Avantages : Restauration collective, prise en charge du titre de transport à 70%, mutuelle d'entreprise

Contact

Pour postuler, merci d'envoyer CV (max. 2p) et lettre de motivation à :

sylvain.baulande@curie.fr, patricia.legoix@curie.fr & sandrie.moquet@curie.fr

Date de parution de l'offre : 16 février 2021

Date limite des candidatures : 10 mars 2021

*Institut Curie is an inclusive, equal opportunity employer
and is dedicated to the highest standards of research integrity.*