

Ingénieur bioinformaticien, CBiB, Bordeaux

Durée : 12 mois + extensible dans les limites de la loi Sauvadet

Date de début : Avril 2019

Ville : Bordeaux

Laboratoire : Centre de Bioinformatique de Bordeaux (CBiB) et ISM - Synthèse organique et substances naturelles (ORGA)

Adresse : CBiB 146 Rue Léo Saignat 33076 Bordeaux Cedex - ORGA 351 cours de la Libération, Bâtiment A12 33405 Talence Cedex

CONTACTS :

Macha Nikolski - macha.nikolski@u-bordeaux.fr - 0557571247

Alexis Groppi - alexis.groppi@u-bordeaux.fr - 0557571218

Description du poste:

Le Centre de Bioinformatique de Bordeaux (<https://www.cbib.u-bordeaux.fr>) est une équipe de service et de recherche dynamique dans le domaine de la bioinformatique. Nous recherchons un ingénieur bioinformaticien pour rejoindre notre équipe, d'abord pour un projet de 12 mois (extensible dans les limites de la loi Sauvadet).

L'objectif de ce projet est d'identifier l'ensemble des protéines ciblées par différents polyphénols au sein de lysats cellulaires ou de cellules et d'analyser les protéines capturées par le biais de méthodes bioinformatiques afin de déterminer leur implication dans les voies métaboliques et de signalisation liées à ces maladies

Vous évoluerez dans une équipe bioinformatique polyvalente et pluridisciplinaire. Vous serez à l'interface avec le laboratoire ISM (groupe Orga) produisant les données. Vous serez amené à réaliser les missions suivantes.

Missions :

Mise en place de pipelines d'analyse de données protéomiques.

Traitement bioinformatique et statistique des données.

Développement de bases de données "omics", analyse des voies métaboliques.

Conseils méthodologiques et assistance pour l'analyse des données.

Collaboration avec des chercheurs biologistes pour leur fournir des analyses lors de la préparation d'articles scientifiques ou de demandes de subvention.

Veille technologique + développement + entretien des workflows.

Connaissances et compétences mobilisées:

Expérience réussie en bioinformatique (génomique, transcriptomique, métabolomique)

Expérience dans le développement de pipelines d'analyse de données

Connaissance d'outils statistiques les plus utilisées en bioinformatique

Connaissance opérationnelle des techniques de programmation :

Maîtrise de la programmation dans au moins un langage : Python, Perl, Java

Maîtrise de l'environnement Unix/Linux / shell

Connaissance souhaitée d'outils d'analyse d'expression et de networks tels que GSEA

Activités essentielles :

Mettre en place des pipelines standardisés de traitement des données

Développer de nouveaux outils nécessaires à l'analyse et à l'intégration des données (pipelines, outils statistiques, etc)

Mettre en place des interfaces utilisables par les chercheurs pour le transfert, le stockage, le contrôle qualité et l'analyse des données

Participer à la rédaction des sections spécialisées des articles

Participer à la mise en place des bases de données "omics"

Qualités requises :

Autonome et rigoureux, avec un sens de l'organisation qui permet de mener des projets impliquant des collaborateurs venant de plusieurs disciplines

Excellentes qualités relationnelles, d'écoute et de communication

Goût pour le travail d'équipe et le partage des connaissances

Esprit d'initiative, curiosité, créativité technique

Maîtrise d'anglais

Formation requise :

Le candidat devra être au moins titulaire d'un BAC+5, en bioinformatique, informatique, biostatistique ou mathématiques appliquées

Liens:

Synthèse organique et substances naturelles (ORGA) : <https://www.ism.u-bordeaux.fr/spip.php?article52>

CBIB : <https://cbib.u-bordeaux.fr/>